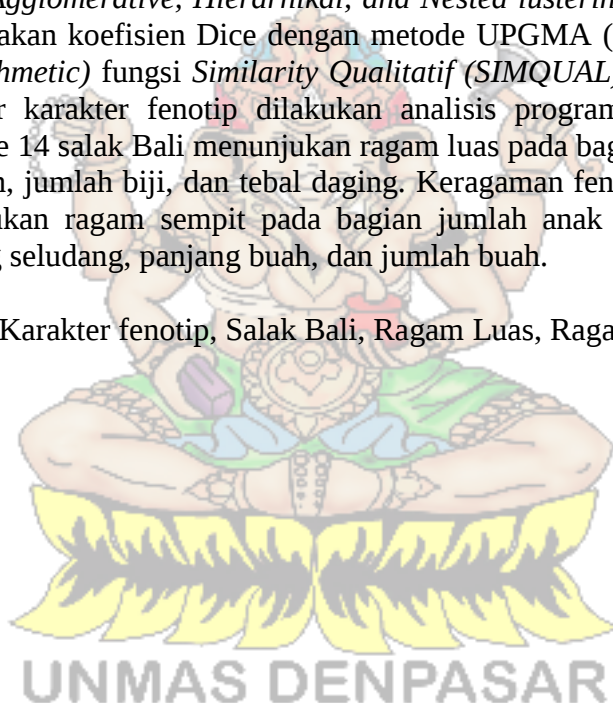


ABSTRAK

Penelitian ini berjudul "Studi Karakter Fenotip Beberapa Jenis Salak Bali (*Salacca zalacca* var. *Bali*)". Tujuan dari penelitian ini adalah memperoleh bagaimana karakter fenotip salak Bali yang ada di Desa Sibetan Kabupaten Karangasem dan mengetahui keragaman salak Bali di Desa Sibetan Kabupaten Karangasem. Metode penelitian ini menggunakan rancangan penelitian deskriptif kualitatif. Data dan berbagai informasi diolah dan dianalisis dengan menggunakan analisis deskriptif kualitatif. Dalam penelitian ini yang menjadi objek adalah salak Bali, sedangkan subyek dari penelitian ini ada para petani salak yang ada di Desa Sibetan. Data yang dikumpulkan dari penelitian ini dibagi menjadi dua yaitu data primer dan data sekunder. Metode analisis data menggunakan analisis kluster (*cluster analysis*) program NTSY (*Numerical taxonomy and Multivariate analysis*) versi 2.1 (Rolf et al, 2006). Analisis kluster pilih metode SHAN (*Sequential, Agglomerative, Hierarchical, and Nested clustering*). Untuk kemiripan fenotip digunakan koefisien Dice dengan metode UPGMA (*Unweighted pair Group Method Arithmetic*) fungsi *Similarity Qualitatif (SIMQUAL)*. Untuk mengetahui korelasi antar karakter fenotip dilakukan analisis program NTSYS. Karakter fenotip dari ke 14 salak Bali menunjukkan ragam luas pada bagian lebar anak daun, diameter buah, jumlah biji, dan tebal daging. Keragaman fenotip dari ke 14 salak Bali menunjukkan ragam sempit pada bagian jumlah anak daun, panjang anak daun, panjang seludang, panjang buah, dan jumlah buah.

Kata Kunci: Karakter fenotip, Salak Bali, Ragam Luas, Ragam Sempit.



ABSTRACT

This study is entitled "Phenotype Character Study of Some Types of Balinese Salak (Salacca zalacca var. Bali)" The purpose of this study is to obtain how the phenotype character of Balinese salak in Sibetan Village, Karangasem Regency and to know the diversity of Balinese salak in Sibetan Village, Karangase Regency. This research method uses a qualitative descriptive research design. Data and various information are processed and analyzed using qualitative descriptive analysis. In this study, the object is Balinese salak, while the subjects of this lamp are salak farmers in Sibetan Village. The data collected from this study is divided into two, namely primary data and secondary data. The data analysis method uses cluster analysis of the NTSY program (Nume rical taxonomy and Multivariate analysis) version 2.1 (Rolf et al, 2006). Cluster analysis selects the SHAN method (Sequential, Agglomerative, Hierarhikal, and Nested lustering). For the similarity of phenotypes used dice coefficient with the UPGMA (Unweight pair Grop Methode Arithmetic) method of the Qualitative Similarity function (SIMQUAL). To determine the correlation between phenotype characters, an analysis of the NTSYS program was carried out. The phenotype character of the 14 Balinese salak shows a wide variety in the width of the leaflets, the diameter of the fruit, the number of seeds, and the thickness of the flesh.

Keywords: Phenotypic character, Balinese Salak, Wide Variety, Narrow Variety.

